To: 5.1.2e [5.1.2e @rivm.nl]
Cc: 5.1.2e [5.1.2e @rivm.nl]; 5.1.2e [5.1.2e @rivm.nl]; 5.1.2e [5.1.2e @etz.nl]; 5.1.2e 5.1.2e [5.1.2e @rivm.nl]; 5.1.2e [5.1.2e @rivm.nl]; 5.1.2e [5.1.2e @rivm.nl]; 5.1.2e 5.1.2e [5.1.2e @rivm.nl]; Signaleringsoverleg[5.1.2e @rivm.nl]
From: 5.1.2e)
Sent: Wed 8/26/2020 4:07:46 PM
Subject: Re: Presentation on reported re-infections at COVID network call on Friday?
Received: Wed 8/26/2020 4:10:36 PM

Als ik de volledige genoom sequenties kan krijgen dan kan ik wel een 5.1.2e maken samen met andere Nederlandse sequenties van GISAID om fylogenetisch te zien hoe ze clusteren.
Groetjes,

5.1.2e

Verstuurd vanaf mijn iPhone

5.1.2e 5.1.2e

Dubbel

5.1.2e 5.1.2e

5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e
5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e
5.1.2e 5.1.2e 5.1.2e

De volgende 4 pagina's zijn verwijderd i.v.m. dubbel